口蹄疫病毒多基因重组质粒在 BHK-21 细胞中的表达

郭慧琛 刘在新 孙世琪 卢增军 周广清 祁淑云 靳 野 刘湘涛 谢庆阁 *

(中国农业科学院兰州兽医研究所 农业部畜禽重点实验室,兰州 730046)

摘 要 利用定点突变的原理 获得包含有口蹄疫病毒 PI 2A 3C 及部分 2B 编码区的目的基因片段 ,Kpn I 和 Xba I 双酶切后 定向克隆于真核表达质粒载体 pcDNA3.1(+),经筛选、鉴定及 DNA 序列分析后 ,将重组质粒 pcDNA3.1(+),经筛选、鉴定及 DNA 序列分析后 ,将重组质粒 pcDNA3.1/P12X3C转染 BHK-21 细胞 ,通过双抗体夹心 ELISA 方法和间接免疫荧光标记方法 检测细胞中表达的口蹄疫病毒抗原。结果表明,口蹄疫病毒基因片段正确克隆到真核表达质粒载体上,重组质粒 pcDNA3.1/P12X3C 可在 BHK-21 细胞中表达 FMDV 目的蛋白。

关键词 口蹄疫病毒 真核表达质粒 ,BHK-21

中图分类号 Q786 文献标识码 A 文章编号 1000-3061(2003)03-0376-04

口蹄疫(Foot-and-mouth disease,FMD)是偶蹄动物共患的一种急性、烈性、接触性传染病,该病的爆发流行给畜牧业生产及人民生活造成极大损失。尽管目前普遍应用的口蹄疫灭活苗对于该病的防治是有效的,但其在制作过程和实际应用中还存在不足之处,因此,世界各国的相关研究室都在致力于研制安全、有效的新型口蹄疫疫苗。

在口蹄疫病毒(Foot-and-mouth disease virus ,FMDV)感染细胞中,由病毒基因组RNA编码合成的多聚蛋白,首先在病毒蛋白酶的作用下,裂解为4个原始的裂解产物,即前导蛋白酶(L),P1-2A、P2和P $^{\{1\}}$ 。P1-2A、氨基末端对于衣壳的正确组装是必须的 $^{2,3\}}$ 随后,病毒蛋白酶 3C 将结构蛋白前体P1-2A 裂解为衣壳蛋白 VP0、VP3、VP1 及非结构蛋白 $2A^{\{1\}}$ 。 衣壳的组装伴随着其他结构的形成,包括 VP0、VP3、VP1 五聚物的形成及无病毒RNA的空衣壳的形成。非感染性病毒前体包含RNA、VP0、VP1和 VP3,随后 VP0 裂解为 VP4和 VP2,从而使病毒前体成为成熟的病毒粒 $^{\{1\}}$ 。

基因免疫方法避免了传统疫苗的安全隐患,而且基因疫苗在细胞内的蛋白表达、合成、加工、递呈等过程与自然病毒很相似,因此,基因疫苗能同时刺激产生体液免疫和细胞免疫,这也是近年来基因疫苗成为疫苗研究领域中的一大热点的原因。

本文利用 FMDV 衣壳蛋白的免疫学特点及基因疫苗的免疫优势 构建包含 FMDV P1 2A 3C 及部分 2B 编码区的真核表达质粒 并检测其在真核细胞中的蛋白表达 ,这将为口蹄疫 DNA 疫苗的研究提供实验依据。

1 材料与方法

1.1 主要材料

pGEM/P12X3C 质粒由本室构建 ,JM109、BHK-21、口蹄疫兔阳性血清、口蹄疫豚鼠阳性血清均由本室保存 ,pcDNA3.1 (+) Lipofectamine Plus™ Reagent 购自 Invitrogen 公司 ,工具酶为 Promega 公司产品 ,FTTC-羊抗兔 IgG、HRP-兔抗豚鼠 IgG 为Sigma 公司产品。

1.2 引物的设计和合成

根据 FMDV 毒株 Akesu/58 ,China/99 株的序列 $^{[5]}$ 及定点突变的原理 $^{[6]}$ 设计了 3 对引物 ,分别为 $A(L游)_AI(下游)_C$ B(上游), BI(下游), C(上游), CI(下游)。其中在引物 AI 和 B 中引入突变的 Xba I 位点 在引物 C 中引入 Xpn I 酶切位点和 ATG 启始密码子 在引物 CI 中引入 Xba I 酶切位点和 TAG 终止密码子。引物由大连宝生物工程公司合成。

1.3 目的基因的获得

根据定点突变的原理 61 ,从 $_{p}$ GEM/P12X3C 质粒上分别 扩增 $_{3}$ 端突变的部分序列(I 片段)和 $_{5}$ 端突变的另一部分 序列(II 片段)将两段序列用表达引物 $_{5}$ C、C1 通过 PCR 扩增 连接成全长目的片段 P12X3C 在其 $_{5}$ C 端和 $_{3}$ C端分别引入 $_{p}$ M I 和 $_{3}$ Ma I 位点。 PCR 条件 $_{3}$ 4°C $_{5}$ Min $_{9}$ 4°C $_{8}$ 0s $_{5}$ 8°C $_{8}$ 0s $_{7}$ 2°C $_{3}$ C $_{5}$ Min $_{7}$ 2°C $_{1}$ 0Min $_{5}$ PCR 产物用 $_{1}$ M 琼脂糖凝胶电泳鉴定。

1.4 真核表达质粒的构建及鉴定

将回收得到的目的基因片段经 $\mathit{Kpn}\ I\ Xba\ I$ 酶切后,与经同样酶切处理的 $\mathit{pcDNA3.1}(\ +\)$ 连接 转化大肠杆菌 $\mathit{JM109}$

收稿日期 2002-12-30 ,修回日期 2003-02-25。

基金项目 国家重大基础研究发展规划 973 基金资助 No. G1999011903)。

并经电泳、酶切、PCR 扩增等方法鉴定筛选 得到阳性重组质粒 定名为 pcDNA3.1/P12X3C。

1.5 序列测定及分析

将筛选出的阳性真核表达质粒 pcDNA3.1/P12X3C 测序,测序结果用 DNAstar 软件分析。

1.6 BHK-21 细胞的转染

按照 Lipofectamine PlusTM Reagent 说明书操作 $A\mu g$ 质粒 DNA 溶于 250μ L 培养液中(无胎牛血清和抗生素) ,再加入 8μ L PlusTM Reagent ,混合后室温放置 $20\min$,另将 12μ L Lipofectamine Reagent 转染试剂溶于 250μ L 培养液中(无胎牛血清和抗生素) 室温放置 $20\min$,两者混合后于室温放置 $20\min$,将混合液缓慢添加到细胞中 37% 所化 $5\hbar$ 移去转染混合液 ,添加 5mL 含有 10% 胎牛血清的营养液 37% 培养 $24\sim48\hbar$ 后 ,收获转染细胞 进行检测。

1.7 间接免疫荧光检测

收取培养皿中转染细胞生长密度达 90% 以上的盖玻片 PBS 液漂洗 $1\sim2$ 次 ,冷丙酮 -20% 固定 30min ,漂洗后吸干液体 滴加口蹄疫兔阳性血清 37% 湿盒中孵化 30min ,PBS 液漂洗 5 次 ,加 FITC-羊抗兔 IgG 37% 湿盒中染色 30min ,甘油封片于 Olympus 荧光显微镜下观察。

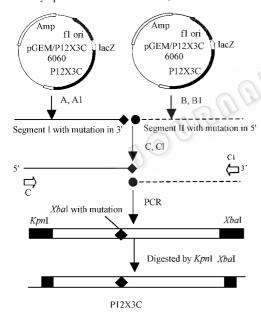


图 1 全长目的基因的获得

Fig.1 Cloning strategy of the full length target gene P12X3C

1.8 双抗体夹心 ELISA 检测

按文献报道的方法略加改进 $^{7.81}$ 。转染 48h 后取出细胞 PBS 洗涤后胰酶消化 ,离心弃上清 ,细胞沉淀裂解并离心 ,上清用于 ELISA 检测。96 孔酶标板用口蹄疫兔阳性血清包埋 4 ℃过夜 ,马血清封闭后 ,将 FMDV 抗原、转染 pcDNA3. 1/P12X3C 的细胞裂解液、转染 pcDNA3. 1(+) 的阴性对照细胞裂解液及未转染的空白对照细胞裂解液以 2 倍梯度稀释 ,每个稀释度设两复孔 37 % 1h 后洗涤 ,加入口蹄疫豚鼠阳性抗血清 37 % 作用 1h ,洗涤后加入 HRP-兔抗豚鼠 IgG ,37 %

作用 1h 加入底物 OPD- H_2O_2 于 37℃作用 15min 用终止液结束反应 于波长 492mm 处测定 OD 值。

2 结 果

2.1 目的基因的获得

为了将 PI 基因上的一个 Xba I 位点突变 ,采用定点突变的方法 ,分别扩增得到 3'端突变的片段 I 和 5'端突变的片段 II ,将两段序列用表达引物 C ,CI 通过 PCR 扩增连接成全长目的片段 PI2X3C(见图 1) ,经 1% 琼脂糖凝胶电泳 ,可见得到了与预期大小相同的目的片段(见图 2)。

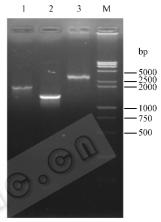


图 2 目的片段电泳结果

Fig. 2 Agarose gel electrophoresis map of PCR products

M. λ DNA 15000bp ladder; 1. Fragment I with 3' mutationp; 2. Fragment II with 5' mutation; 3. Full length gene P12X3C

2.2 真核表达质粒的构建及鉴定

将所得目的基因片段 P12X3C 和质粒载体 pcDNA3.1 (+)分别用 $Kpn \perp Xba \perp$ 酶切后连接 ,阳性重组质粒经 $EcoR \perp Kpn \perp Xba \perp$ 酶切鉴定 ,PCR 鉴定 ,结果表明重组真核表达质粒成功构建 见图 3)。

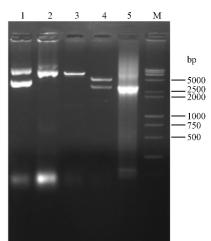


图 3 重组质粒电泳分析

Fig. 3 Electrophoretic analysis for the recombinant plasmid

1. Plasmid pcDNA3. I(+); 2. Recombinant plasmid pcDNA3. 1/P12X3; 3.

Enzymatic digestion with EcoR I; 4. Enzymatic digesion with Xba I, Kpn I;

© 为空阳 的现象性地位系统问题中间影像编号 M. λΡΝΑ 15/000 polaticet m. ac. cn

2.3 重组质粒的序列测定及分析

测定的序列用 DNAstar 软件分析 结果表明目的基因约 3046 个核苷酸 编码 1015 个氨基酸 ,与需要的完整 P12X3C 序列相符(序列略),且其以正确方向连接于质粒载体 pcDNA3.1(+)。

2.4 夹心 ELISA 的检测结果

转染 48h 后收获的细胞裂解液用双抗体夹心 ELISA 方法进行检测 结果显示 ,A 组的 OD 值与 B, C, D 组的 OD 值差异极显著(P > 0.01),B 组与 C, D 组差异显著(P < 0.01),而 C 与 D 组间的 OD 值差异不显著(P < 0.05 ,见表 1)。

表 1 夹心 ELISA 法检测 BHK-21 细胞中的目的蛋白表达情况

Table 1 Expression of target protein in BHK-21 cells tested with sandwich-ELISA

| Dilution multiple | | | | | | | | |
|-------------------|-----------------|-----------------|-----------------|-----------------|-----------------|-----------------|-----------------|-----------------|
| Group | Undiluted | 1:2 | 1:4 | 1:8 | 1:16 | 1:32 | 1:64 | 1:128 |
| A | 1.73 ± 0.01 | 1.60 ± 0.02 | 1.51 ± 0.01 | 1.24 ± 0.01 | 0.92 ± 0.03 | 0.73 ± 0.01 | 0.58 ± 0.04 | 0.45 ± 0.00 |
| В | 0.58 ± 0.02 | 0.50 ± 0.04 | 0.37 ± 0.01 | 0.34 ± 0.02 | 0.22 ± 0.02 | 0.20 ± 0.00 | 0.16 ± 0.00 | 0.13 ± 0.03 |
| C | 0.18 ± 0.00 | 0.14 ± 0.01 | 0.15 ± 0.03 | 0.13 ± 0.02 | 0.13 ± 0.02 | 0.22 ± 0.03 | 0.16 ± 0.03 | 0.15 ± 0.05 |
| D | 0.18 ± 0.09 | 0.14 ± 0.02 | 0.15 ± 0.02 | 0.12 ± 0.00 | 0.13 ± 0.03 | 0.17 ± 0.01 | 0.13 ± 0.00 | 0.16 ± 0.04 |

A(positive control): FMDV antigen obtained from cultural cell; B(tested sample): the lysate from transfected BHK-21 cell with pcDNA3.1/P12X3C; C (negative control): the lysate from transfected BHK-21 cell with pcDNA3.1; D(blank control): the lysate from untransfected BHK-21 cell.

随着倍比稀释度的提高 $_{OD}$ 值和 $_{OD}$ 值和 $_{OD}$ 值同时逐渐降低 $_{OD}$ 值 $_{OD}$ 值及 $_{OD}$ 值 $_{OD}$ 0 $_{O$

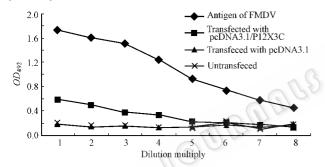


图 4 ELISA 折线图

Fig. 4 Curve of ELISA

 $\spadesuit {\rm Antigen} \ {\rm of} \ {\rm FMDV}$;

■Transfected with pcDNA3.1/P12X3C;

 $\blacktriangle {\it Transfeced}$ with pcDNA3.1; \times Untransfeced

2.4 间接免疫荧光检测结果

将分别转染 pcDNA3.1/P12X3C 和 pcDNA3.1(+)的细胞飞片以及未转染细胞的飞片,经荧光染色后,在镜下观察并拍照。结果显示,转染 pcDNA3.1/P12X3C 的 BHK-21 细胞中有特异荧光产生,而转染 pcDNA3.1(+)的阴性细胞及未转染的空白细胞中未出现特异荧光,说明目的蛋白在 BHK-21 细胞中正确表达。

3 讨论

在 FMDV 病毒空衣壳和病毒粒子上存在线性及构象位点[9,10] 抗空衣壳的血清具有血清型特异性,与抗病毒粒子的血清相同[11],说明空衣壳的免疫原性和完整病毒粒子的免疫原性相同,提示 FMDV 空衣壳可用于模拟病毒粒子的免疫性。病毒蛋白酶 3C 将结构蛋白前体 P1-2A 裂解为蛋白 VP0、VP3 和 VP1 以及非结构蛋白 2A .P1-2A 编码区的氨基末端的

烷酰化对于病毒衣壳的正确组装是必需的 ¹²]。但由于大肠杆菌不具有烷酰化酶 ,无法使包含有 PI-2A 和 3C 编码区的重组质粒正确表达 产生大量的衣壳蛋白 ^[13]。为了克服这一问题 本文利用基因疫苗的优势 ,构建了包含有 FMDV PI、2A、3C 及部分 2B 的真核表达质粒 ,PI 上携带有 B、T 细胞表位以确保能刺激与完整病毒粒子相似的体液免疫和细胞免疫 2B 蛋白是细胞免疫反应及体液免疫反应的刺激因子 ^[14,15] 同时 PI 上加上 2A 蛋白酶和 3C 蛋白酶 ,对于 PI 多聚蛋白形成 VPI、VP3 和 VPO 也是必需的。本实验利用已经构建好的质粒 pGEM/PI2X3C ,采用定点诱变的方法获得Xba I 位点突变的完整目的基因 PI2X3C ,这一获得目的基因的方法突破了通常采用的酶切连接法 ,简化了实验步骤 ,提高了实验的准确性和成功率。

由于基因疫苗安全性好,免疫期长,成本较低,易于设计 构建改造 尤其是它可以同时诱导体液免疫和细胞免疫反 应,被公认为免疫学上的第三次革命。因此,基因疫苗将在 病毒、细菌和寄生虫疾病的免疫保护及变态反应性疾病、自 身免疫病和肿瘤的治疗方面提供新的希望。本文根据基因 疫苗的基本特点及研制原则 选择能够在哺乳动物细胞中高 效表达目的蛋白的真核表达质粒载体 pcDNA3.1(+),以确 保重组质粒在导入动物体内后,目的蛋白得以表达,继而刺 激机体产生体液免疫和细胞免疫反应。本文为验证目的蛋 白能否在体外哺乳动物细胞中表达 并为检测目的蛋白的免 疫原性 将鉴定及序列分析证实的、正确的真核表达质粒转 染 BHK-21 细胞后 ,采用双抗体夹心 ELISA 方法和荧光标记 方法对目的蛋白的表达情况进行检测。结果表明,目的蛋白 在转染重组质粒的 BHK-21 细胞中正确表达 ,且具有免疫原 性 ,但 ELISA 检测结果显示 ,目的蛋白的表达量远低于 FMDV 抗原量 这可能与转染条件及收获时间有关 因此 摸索质粒 DNA 和转染试剂之间的最适比例以及转染操作的最佳条件 将有利于提高转染效率,从而提高目的基因的表达量,同时 **传染后细胞的最佳收获时间也是影响目的蛋白检测结果的** 一个因素 因此 針对研究选用的真核表达质粒载体的特点 , 掌握目的蛋白表达量最高的时间段 将有利于保证实验结果 的真实性和可信度。

连接于真核表达质粒载体 pcDNA3.1(+)上的目的基因能够在体外细胞中正确表达,这不仅说明成功构建了真核表达质粒,而且提示带有 FMDV 抗原蛋白基因的真核表达质粒pcDNA3.1/P12X3C 也可能在动物体内表达目的蛋白,从而可能刺激机体产生特异的免疫反应,这一部分工作将在今后继续进行。本研究结果为口蹄疫基因免疫的基础研究提供了实验数据,为研制口蹄疫基因疫苗奠定了实验基础。

REFERENCES(参考文献)

- [1] Ward G, Rieder E, Mason P W. Plasmid DNA encoding replicating foot-and-mouth disease virus genomes induces antiviral immune responses in swine. J Virol ,1997 71 7442 – 7447
- [2] Abrams C C ,King A M Q ,Belsham G J. Assembly of foot-and-mouth disease virusempty capsids synthesized by a vaccinia virus expression system. J Gen Virol ,1995 ,76 3089 – 3098
- [3] Krausslich H G ,Holscher C ,Reuer Q et al. Myristoylation of the poliovirus polyprotein is required for proteolytic processing of capsid and for viral infectivity. J Virol ,1990 64 2433 2436
- [4] Knipe T ,Rieder E ,Baxt B et al . Characterization of synthetic footand-mouth disease virus provirions separates acid-mediated disassembly from infectivity. J Virol ,1997 ,71 2851 – 2856
- [5] Forss S Strebel K Schaller H. Nucleotide sequence and genome organization of foot-and-mouth disease virus. Nucl Acids Res ,1984 ,12: 6587 6601

- [6] Steffan N Ho ,Henry D H ,Robert M H et al . Site-directed mutagenesis by overlap extension using the polymerase chain reaction. Gene ,1989 , 77 51 – 59
- [7] DUNX(杜念兴). Veterinary Immunolog(鲁医免疫学). 2nded, Shanghai Science and Technology Press of Shanghai, 1989
- [8] YANG H ((杨汉春). Immunology of Animals(动物免疫学). 2nd ed ,BeiJing: Chinese Agricultural University Publishing house ,1996
- [9] Doel T R ,Chong W K T. Comparative immunogenicity of 146s ,75s and 12s particles of foot-and-mouth disease virus. Arch Virol ,1982 , 73:185 191
- [10] Rowlands D J Sangar D V Brown F. A comparative chemical and serological study of the full and empty particles of foot-and-mouth disease virus. J Gen Virol, 1975. 26: 227 – 238
- [11] Rweyemamu M M Terry G Pay T W F. Stability and immunogenicity of empty particles of foot-and-mouth disease virus. Arch Virol ,1979 , 56 59 - 79
- [12] Duronio R J Jackson-Machelsky E Heuckeroth R O et al. Protein N-myristoylation in Escherichia coli reconstitution of a eukaryotic protein modification in bacteria. Pro Natl Acad Sci USA 1990 ,87:1506 1510
- [13] Grubman M J ,Lewis S A ,Morgan D O. Protection of swine against foot-and-mouth disease virus with viral capsid proteins expressed in heterologous systems. *Vaccine*, 1993, 11, 825 – 829
- [14] Foster M Cook A Cedillo L et al. Serological and cellular immune responses to non-structural proteins in animals infected with foot-and-mouth disease virus. Vet Q ,1998 20(suppl 2) \$28 \$30
- [15] Collen T, Baron J, Childerstone A *et al*. Hereotypic recognition of recombinant foot-and-mouth disease virus proteins by bovine T-cell: the polymerase (P3Dpol) as an immunodominant T-cell immunogen.

 Virus Reseach, 1998 **56**:125 133

Expression of Recombinant Plasmid pcDNA3.1/P12X3C with Multi-genes of Foot-and-mouth Disease Virus in BHK-21 Cells

GUO Hui-Chen LIU Zai-Xin SUN Shi-Qi LU Zeng-Jun ZHOU Guang-Qing QI Shu-Yun JIN Ye LIU Xiang-Tao XIE Qing-Ge *

(Chinese Academy of Agricultural Sciences , Lanzhou Veterinary Research Institute , Lanzhou 730046 , China)

Abstract In order to obtain the gene P12X3C of Foot-and-Mouth Disease Virus (FMDV) that includes full length P1, 2A, 3C and a part of 2B, the site mutation strategy was used. After being digested by $\mathit{Kpn}\ I$ and $\mathit{Xba}\ I$ respectively, the gene P12X3C was cloned into the pcDNA3.1(+) expression vector. The recombinant plasmid was checked by restriction enzyme analysis and nucleic acid sequencing, and then named pcDNA3.1/P12X3C. Further, BHK-21 cells was transfected with pcDNA3.1/P12X3C by using lipoid. The proteins of Foot-and-Mouth Disease Virus, which were expressed in BHK-21 cells, were confirmed by sandwich-ELISA and fluoroscopy. The result shows the gene P12X3C is cloned into eukaryotic expression plasmid, and the recombinant eukaryotic expression plasmid pcDNA3.1/P12X3C could express proteins of Foot-and-Mouth Disease Virus in BHK-21 cells, which have immunocompetence. This study demonstrates that delivery of a recombinant eukaryotic expression plasmid containing P12X3C coding regions results in the assembly of FMDV capsid structures, which will offer experimental base to DNA vaccine of FMDV.

Key words foot-and-mouth disease virus (FMDV), eukaryotic expression plasmid ,BHK-21

Received: 12-30-2002

This work was supported by Grant from "973" Major State Basic Research Development Program of China (No. G1999011903).

^{*} Corresponding author. Tel: 86-931-8342585; Fax 86-931-8340799; E-mail: xieggkey@public.lz.gs.cn