

一种新的酸性磷酸酯酶基因在酿酒酵母中的表达

林 影

(华南理工大学生物工程研究所, 广州)

高重焕 依田幸司 山崎真狩

(东京大学农艺化学科微生物室, 日本)

脆壁克鲁维酵母(*Kluyveromyces fragilis*)的酸性磷酸酯酶的基因曾被克隆到酿酒酵母(*S. cerevisiae*), 并进行核酸顺序测定和分析, 导出对应的氨基酸序列, 发现其与酿酒酵母的Ph03和Ph05酸性磷酸酯酶及*E. coli*的碱性磷酸酯酶没有同源性, 而被认为属于一种新的基因系。

材料与方法

(一) 材料

1. 菌种: *E. coli* 菌株 JM109 和 *S. cerevisiae* NA87-11A 分别为不同质粒的受体细胞。

2. 材料: 寡核苷酸纯化分离柱系应用生物系统公司提供。pIKD50 质粒由日本东京大学农艺化学科微生物室 Nagamatsu, T. 构建, 包含 pUC19 和 *S. cerevisiae* 的 trp I - ars I 片段, 以及 *K. fragilis* Y610 中的 2.8kb Sau3A I 的基因。

(二) 方法

1. 寡核苷酸的制备: 寡核苷酸通过设计和化学合成, 用柱层析分离纯化, 再退火进行碱基配对成双链DNA。

2. 质粒的构建: 从 pIKD50 切下 4.5kb 的 BamH I - Pvu I 限制片段, 加入 tac 启动子和 Apm' 标记的片段, 构成 pLIN2, 其中 tac 启动子中的 SD 序列与起始密码子间距为 137bp (如图 1 所示)。改造 pLIN2, 删除 SD 到起始密码子附近 163bp 的 DNA 片段, 插入 40bp 的化学合成寡核苷酸, 构成 pLIN4 (如图 2 所示), 使 SD 至起始密码子间距减至 16bp。

用 BamH I 和 Sal I 切割 pLIN4, 取 2.7kb 限

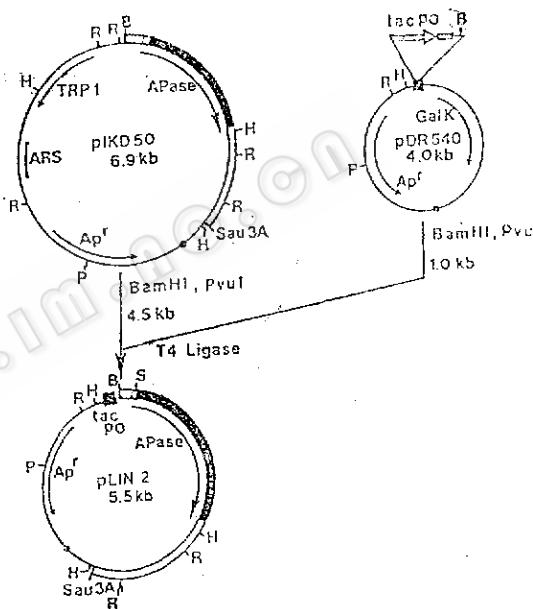


图 1 质粒 pLIN2 的构建

制片段, 由含 *S. cerevisiae* 的 GAL7 启动子基因片段取代 pLIN4 的 tac 启动子, 再克隆到 YEP24 中, 形成质粒 pLIN5, 如图 3。

3. 转化和培养: 使用 CaCl_2 转化法, 使 pLIN2 和 pLIN4 转化入 *E. coli* JM109 中, 在含 Apm' 的琼脂培养基中生长和初选克隆子, 再根据平板染色分析和质粒图谱分析, 选出含目的基因的菌落。在营养肉汁液体培养基中接种, 生长至 $\text{OD}_{600\text{nm}} = 0.2$ 时, 添加 1.0 mmol/L 异丙基- β -D-硫代半乳糖苷 (IPTG) 继续培养, 至 $\text{OD}_{600\text{nm}} = 1.0$ 时^[2], 测定酶蛋白的生产。

细胞 *S. cerevisiae* NA87-11A 用 CaCl_2

本文于 1990 年 11 月 24 日收到。

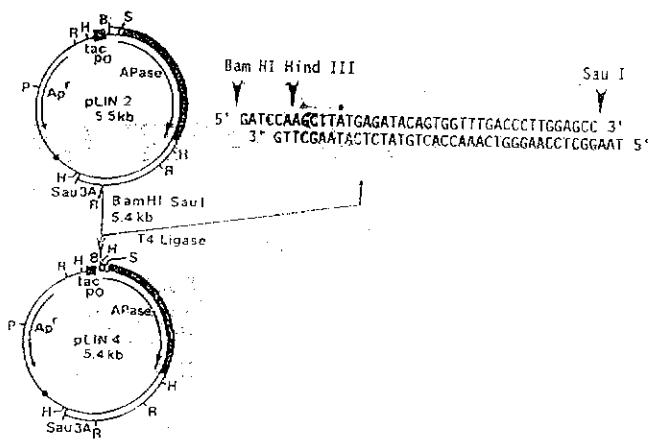


图 2 质粒 pLIN4 的构建

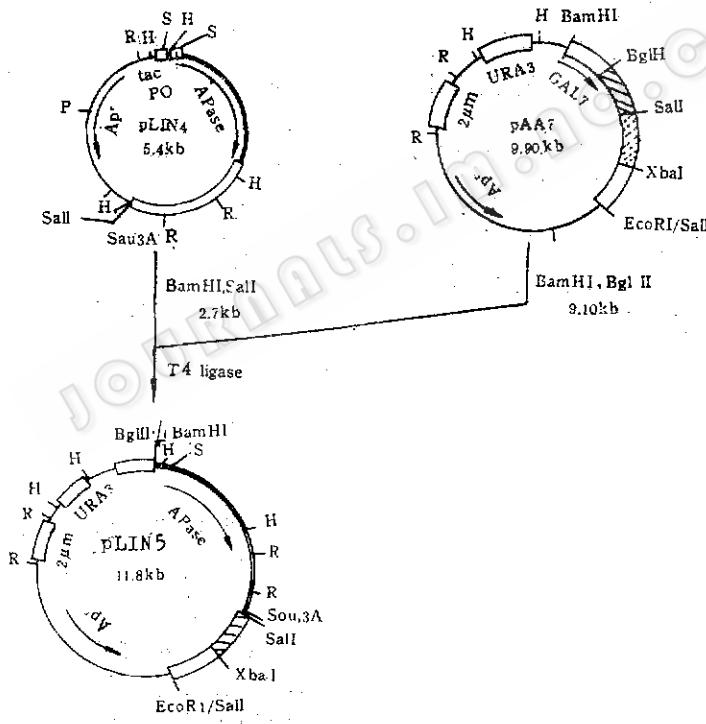


图 3 质粒 pLIN5 的构建

PEG转化法，转化入pLIN5质粒。细胞在酵母营养液(YNB)添加2%葡萄糖培养基中生长，然后转移到YNB加入0.2%葡萄糖和2%半乳糖中培养产酶^[3]。

4. 酸性磷酸酯酶的平板染色分析：菌体细胞在对应的基因产物诱导平板培养基中生长成熟后，复盖一层0.8%的琼脂薄层，其含有

0.05%α-萘基磷酸和0.25%快速蓝盐(溶于pH4.5、0.1mol/L醋酸缓冲液中)，放置数分钟后，产酸性磷酸酯酶的菌落反应出紫红色染色点^[4]。

5. 酸性磷酸酯酶活力测定：对E.coli进行细胞破碎或对S.cerevisiae细胞破壁，并进行抽提。所得抽提液对p-硝基苯酚磷酸二钠作

用，用分光光度法测量酶活力。一个酶活力单位表示为：在酶促反应条件下，每分钟产生 $1\mu\text{mole}$ 硝基苯酚所需的酶量。

6. 蛋白质的分析：用 SDS-聚丙烯酰胺凝胶电泳法分析蛋白质，凝胶浓度为10%^[5]。

结果与讨论

(一) *K. fragilis* 酸性磷酸酯酶基因的表达

质粒pLIN2和pLIN4被转化入 *E. coli* 后，进行培养和诱导产酶，分别检测了酸性磷酸酯酶的活力，并分析了成熟细胞的蛋白质分泌情况，结果没有发现酶蛋白的表达(图表略)。

因此，用 *S. cerevisiae* 为受体，把 GAL7 启动子作用下的质粒pLIN5转化入受体细胞中，通过平板染色分析(如图4所示)，选择有分泌染

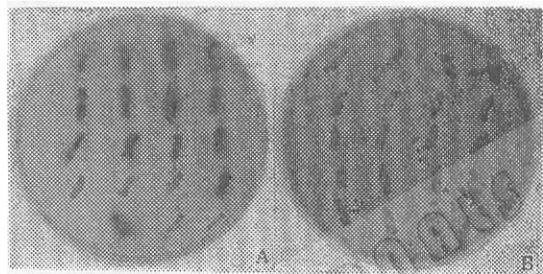


图 4 平板染色分析
A. 加半乳糖 B. 不加半乳糖

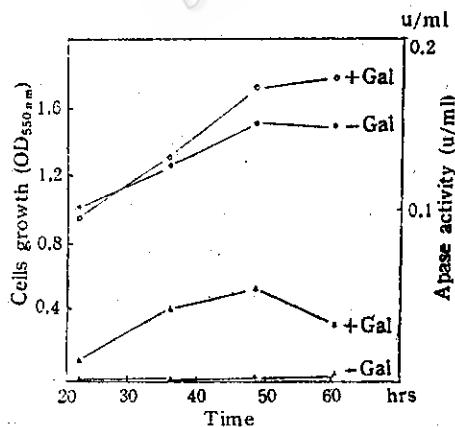


图 5 半乳糖诱导下酸性磷酸酯酶产生

色的即紫红色对应的菌落进行诱导产酶实验。结果表明，在半乳糖的诱导下，*K. fragilis* 的酸性磷酸酯酶的基因在 *S. cerevisiae* 中有显著分泌(如图5)。

(二) *K. fragilis* 酸性磷酸酯酶基因产物的分析

在 *S. cerevisiae* 中，酸性磷酸酯酶主要分泌在细胞周质间(如图6)，酶的最适pH5.5没有改变(如图7)。

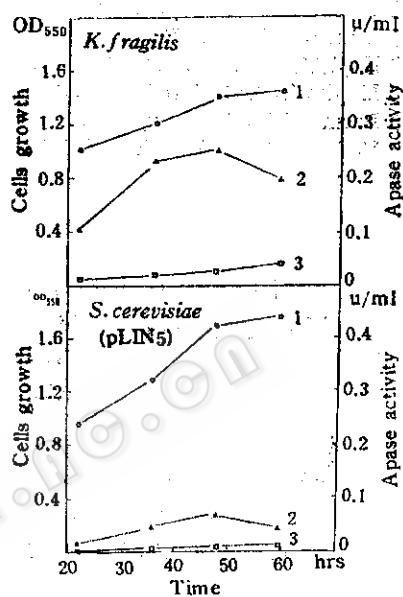


图 6 *K. fragilis* 和 *S. cerevisiae* 产酶比较
1. 细胞壁产酶 2. 细胞周质间产酶 3. 胞外酶

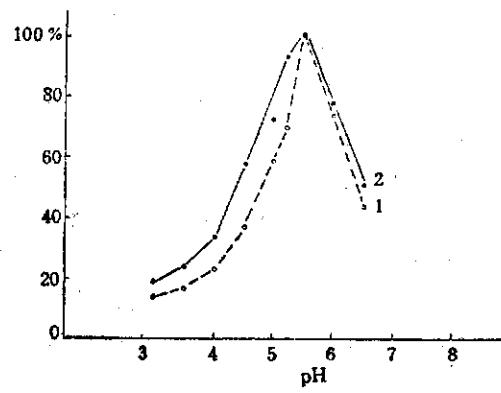


图 7 pH对*K. fragilis*(2)和*S. cerevisiae*(1)产酶的影响

同时，对细胞周质间的蛋白质进行 SDS-聚丙烯酰胺凝胶电泳分析，观察到添加了半乳糖诱导培养的细胞周质间蛋白质分析区带中，对应出现一条独立的蛋白质色带，分子量约为

58kd, 与 *K. fragilis* 周质间产生的酸性磷酸酯酶的蛋白质区带相同(图略), 其分子量与估算的

部分核糖基化形式的预测值相符, 从核酸顺序分析发现, 此酶有 13个糖基化的潜在位置。

参 考 文 献

- [1] Nagamatsu,T.: *Nippon Nogeikagaku., Kaishi*, 32:514—516,1929.
- [2] Mauer,J.H. et al.: Experiments in Mol.Genet., Cold Spring Harbor Lab., N.Y., 1972.
- [3] Nogi,Y. and Fukasawa,T.: *Nucl.Acids Res.*, 11:8555—8559,1983.
- [4] Meyhack,B. et al., *EMBO J.*, 1:675—677,1982.
- [5] Laemmli,U.K.: *Nature*, 227:680—686,1970.
- [6] Yoda,K. et al., *American Sci.for Microb.*, Washington D.C.9:19—23,1987.

Expression of A New Acid Phosphatase Gene of *Kluyveromyces fragilis* in *Saccharomyces cerevisiae*

Lin Ying

(Institute of Biotechnology, South China University of Technology, Guangzhou)

JungHwan Ko Koji Yoda Makari Yamasaki

(Department of Agricultural Chemistry, The University of Tokyo, Japan)

In our previous work, we cloned an acid phosphatase gene of *Kluyveromyces fragilis* in *S.cerevisiae*. The amino acid sequence had no homology to those of acid phosphatase of a closely related *S.cerevisiae*. To know the substrate specificity of the *K.fragilis* acid phosphatase, several efficient expression systems for the cloned gene in *E.coli* and *S.cerevisiae* were tested. In *E.coli* system, the acid phosphatase gene cloned on a multicopy plasmid was tried to be expressed under the control of tac or phoA promoter with varied distance between SD and the initiation codon or the sequence of signal peptide. Expected proteins and activities, however, were not detected in any trial. Then we tested an expression system of *S.cerevisiae*. The acid phosphatase gene was placed downstream of GAL7 promoter and subcloned on a YEp24 derived plasmid. *S.cerevisiae* (pho3, pho5) transformed with the plasmid secreted a distinct amount of acid phosphatase in the periplasm only when galactose was added as an inducer.

Key words

Acid phosphatase, recombinant DNA, GAL7 promoter